

Zertifikat

DNA-Profil - PCR

LABOKLIN-Befund-Nr.: 1908W42506

Hund, Geschlecht: Rock'n Roll de Lordship's, männlich

Rasse, Wurftag: Riesenschnauzer, * 23.07.18

Zuchtbuch-Nummer: LOE 2429479

Tatoo-Nummer:

Chip-Nummer: 941000023244446

Verband: -

Besitzer: Silweschak, Gabriele

Von der oben beschriebenen Probe wurde folgendes DNA-Profil erstellt:

AHT 121:	102/102	INU 005:	124/124
AHT 137:	147/147	INU 030:	152/152
AHTH 130:	117/117	INU 055:	210/218
AHTH 171:	219/233	REN 105 L 03:	233/233
AHTH 260:	242/246	REN 162 C 04:	204/208
AHTK 211:	87/87	REN 169 D 01:	216/216
AHTK 253:	286/292	REN 169 O 18:	162/168
CXX 279:	118/118	REN 247 M 23:	268/270
FH 2054:	156/156	REN 54 P 11:	236/238
FH 2848:	234/240	REN 64 E 19:	145/147
INRA 21:	105/105	Kein Liki	

Das Ergebnis gilt nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Nomenklatur basiert auf den Werten des ISAG Dog Comparison Test 2006.

LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO, KG Steubenstr. 4 · 97688 Bad Kissingen Tcl. (09 71) 7 20 20 · Fax (09 71) 6 85 48 Bad Kissingen, 28.08.2019

Fr. MSc Hanna Erhard Abt. Molekularbiologie







Laboklin GmbH & Co. KG, Steubenstraße 4, 97688 Bad Kissingen

Tierklinik Wittenberg Dr. Manuela Schwede Fröbelstr. 25 06886 Lutherstadt Wittenberg Deutschland Untersuchungsbefund Nr.:2011-W-94598Probeneingang:27.11.2020Datum Befund:08.03.2024Untersuchungsbeginn:27.11.2020Untersuchungsende:02.12.2020Befundstatus:Endbefund

Tierart: Hund

Rasse: Riesenschnauzer

Geschlecht: männlich

Name: Rock'n Roll de Lordship's

Zuchtbuchnummer: LOE 2429479
Chipnummer: 941000023244446
Geburtsdatum / Alter: 23.07.18

Probenentnahme: 25.07.16

EDTA-Blut/Serum
12.08.2019

Patientenbesitzer: Silweschak, Gabriele

EDV-Nummer / Befund-ID:

Nachbestellung vom 27.11.2020 zu Befund-Nr. 1908-W-42506 Originalprobe eingegangen am: 13.08.2019

Hyperurikosurie - PCR

Ergebnis: Genotyp N/HUU

Interpretation: Das untersuchte Tier ist Anlageträger (heterozygot) für die ursächliche Mutation für HUU im SLC2A9-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Das Ergebnis gilt nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Verantwortung für die Richtigkeit der Angaben zu den eingesandten Proben liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen dafür können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt, im Übrigen haften wir nur für Vorsatz und grobe Fahrlässigkeit, soweit gesetzlich möglich.

Weitere Genveränderungen, die ebenfalls die Ausprägung der Erkrankung/Merkmale beeinflussen können, können nicht ausgeschlossen werden. Die Untersuchung/en erfolgte/n nach dem derzeitigen allgemeinen wissenschaftlichen Kenntnisstand.

Das Labor ist für die auf diesem Befund aufgeführten Untersuchungen akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (ausgenommen Partnerlabor-Leistungen).

Befund-Nr.: 2011-W-94598



LABOKLIN GmbH&CokG . Postfach 1810 . DE-97668 Bad Kissingen

Tierklinik Wittenberg Dr. Manuela Schwede

Fröbelstr. 25

06886 Lutherstadt Wittenberg

Deutschland

Untersuchungsbefund

Nr.: 1908-W-42506 Probeneingang:

13-08-2019

Untersuchungsbeginn: 13-08-2019

Datum Befund:

28-08-2019

Untersuchungsende:

26-08-2019

Angaben zum Patienten: Hund

männlich

* 23.07.18

Patientenbesitzer: Probenmaterial:

Riesenschnauzer

Silweschak, Gabriele EDTA-Blut/Serum

Probenentnahme:

12-08-2019

Name:

Rock'n Roll de Lordship's

ZB-Nummer:

LOE 2429479

Chip-Nummer:

941000023244446

Tattoo-Nummer:

NECAP1-Progressive Retinaatrophie (PRA) - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für PRA im NECAP1-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Eine Korrelation zwischen dieser Mutation und der Erkrankung wurde bisher bei folgenden Rassen beschrieben: Riesenschnauzer

Dilatative Kardiomyopathie (DCM) - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für DCM im RBM20-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv